

# Transcriptome Sequencing



## Verbinden Sie Gene mit ihrer Funktion

Das Transkriptom umfasst alle RNA-Moleküle, die in einer Zelle oder einem Gewebetyp zu einer bestimmten Zeit vorhanden sind. Ihr Vorhandensein und ihre Häufigkeit entsprechen dem aktuellen Stoffwechselzustand der Zellen. Durch verschiedene interne und externe Einflüsse kann sich dieser Zustand verändern. Die Transkriptom-Sequenzierung (Transcriptome Sequencing) ist eine leistungsstarke Methode zum Nachweis und zur Quantifizierung von RNA-Molekülen.

Die Anwendungsbereiche und Ziele der Transkriptom-Sequenzierung sind vielfältig und umfassen

- ✗ die Analyse der unterschiedlichen Genexpressionsniveaus und
- ✗ den Nachweis von alternativem Spleißen und bisher unbekanntem Transkripten.

**Wir bieten verschiedene Transcriptome-Sequencing-Produkte an, die einen zuverlässigen und genauen Aufschluss über die RNA-Moleküle in einer Zelle geben.**



## Unser Produktportfolio für Transcriptome Sequencing

	CTS Classic	WTS Classic	WTS Classic Deep	TS Flex
<b>Spezies</b>	Eukaryoten	Mensch, Maus, Ratte		Eukaryoten (darunter Pflanzen und Pilze), Prokaryoten
<b>RNA-Qualität &amp; Input</b>	RIN > 8	Unterschiedliche Qualität Low-Input-Option		Abhängig vom gewählten Protokoll
<b>Ziel-RNA</b>	mRNA	Gesamt-RNA		mRNA, Gesamt-RNA
<b>Sequenzierplattform</b>	Illumina			
<b>Output</b>	6 Gb <small>(30 Millionen Cluster)</small>	6 Gb <small>(30 Millionen Cluster)</small>	10 Gb <small>(50 Millionen Cluster)</small>	Flexibel
<b>Beinhaltete Leistungen</b>	Projektbericht & FASTQ-Dateien			

CTS: Coding Transcriptome, WTS: Whole Transcriptome Sequencing, TS: Transcriptome Sequencing

Möchten Sie mehr erfahren?  
Für weitere Informationen besuchen Sie unsere Website.  
[www.cebata.de/transcriptome-sequencing](http://www.cebata.de/transcriptome-sequencing)





## Über uns

CeGaT wurde 2009 in Tübingen, Deutschland, gegründet. Unsere Mitarbeiterinnen und Mitarbeiter sind spezialisiert auf Next Generation Sequencing (NGS). Neben der genetischen Diagnostik bieten wir eine Vielzahl von Sequenzierdienstleistungen für Fragestellungen aus der Forschung und der Pharmabranche an. Unser Serviceportfolio umfasst Sequenzierdienstleistungen, die sich auch für Mikrobiom-, Epigenom-, Immunologie- und translationale Onkologie-Projekte eignen.

Unser engagiertes Team arbeitet eng mit Ihnen zusammen, um die beste Strategie für Ihr Projekt zu entwickeln sowie dieses zu betreuen. Wir wählen mit Ihnen die am besten geeignete Vorbereitung der Library, die optimalen Bedingungen für die Sequenzierung sowie das Level der bioinformatischen Leistungen für Ihr Projekt aus.

**Wir freuen uns, Ihnen unseren exzellenten Service anbieten zu können. Kontaktieren Sie uns noch heute, um mit der Planung Ihres nächsten Projekts zu beginnen.**



Akkreditiert nach  
DIN EN ISO/IEC 17025:2018



CLIA CERTIFIED ID: 99D2130225

CeGaT GmbH  
Research & Pharma Solutions  
Paul-Ehrlich-Str. 23  
72076 Tübingen  
Deutschland

Phone: +49707156544-333  
Fax: +49 707156544-56  
Email: rps@cegat.com  
Web: www.cegat.de/rps