

# Ready to Load Sequencing



# Unser Produktportfolio für Ready to Load Sequencing

NovaSeq™ X Plus Plattform (Illumina)		Output [Gb]
<b>10B Flow cell</b>		
SR / PE	200 Zyklen	2000
SR / PE	300 Zyklen	3000

## Nutzen Sie unsere Sequenzierkapazitäten für Ihre Ready-to-Load-Librarys

CeGaT bietet die Sequenzierung von individuell erstellten Librarys an, die mit Illumina- oder PacBio-Systemen kompatibel sind. Dabei setzen wir die neuesten Sequenziertechnologien ein. Je nach Bedarf werden die Proben entweder auf Illumina Short-Read-Plattformen, wie dem NovaSeq™ X Plus, NovaSeq™ 6000 oder MiSeq, oder auf dem PacBio Sequel IIE Long-Read-System sequenziert.

Es stehen flexible Sequenzieroptionen zur Verfügung, die speziell auf Ihr Projekt zugeschnitten sind. Weitere Einzelheiten entnehmen Sie bitte unseren technischen Informationen.



Möchten Sie mehr erfahren?

Für weitere Informationen besuchen Sie unsere Website.

[www.cegat.de/ready-to-load-sequencing](http://www.cegat.de/ready-to-load-sequencing)

NovaSeq™ 6000 Plattform (Illumina)		Output [Gb]	Single-Reads CPF [Millionen]*
<b>SP Flow cell</b>			
SR / PE	100 Zyklen	65	650
SR / PE	200 Zyklen	134	650
SR / PE	300 Zyklen	200	650
PE	500 Zyklen	325	650
<b>S1 Flow cell</b>			
SR / PE	100 Zyklen	134	1330
SR / PE	200 Zyklen	266	1330
SR / PE	300 Zyklen	400	1330
<b>S2 Flow cell</b>			
SR / PE	100 Zyklen	333	3335
SR / PE	200 Zyklen	667	3335
SR / PE	300 Zyklen	1000	3335
<b>S4 Flow cell</b>			
SR / PE	200 Zyklen	1600	8000
SR / PE	300 Zyklen	2400	8000

SR: Single-Read, PE: Paired-End, CPF: Clusters Passing Filter.

MiSeq Plattform (Illumina)		Output [Gb]	Single-Reads CPF [Millionen]*
<b>V2 Nano Flow cell</b>			
SR / PE	300 Zyklen	0.3	1
PE	500 Zyklen	0.5	1
<b>Micro Flow cell</b>			
SR / PE	300 Zyklen	1.2	4
<b>V2 Flow cell</b>			
SR / PE	50 Zyklen	0.75	12
SR / PE	300 Zyklen	4.5	12
PE	500 Zyklen	7.5	12
<b>V3 Flow cell</b>			
SR / PE	150 Zyklen	3.3	22
PE	600 Zyklen	13.2	22
<b>SEQUEL IIE Plattform (PACBIO)</b>			<b>HiFi reads [Millionen]**</b>
<b>SMRT Cell 8M</b>			
Movie Time - 10 - 30 h**			3

\* Im Falle der PE-Sequenzierung ist die Zahl doppelt so hoch.

\*\*Abhängig von der Länge des Library-Inserts, der Movie Time und der Probenqualität.



## Über uns

CeGaT wurde 2009 in Tübingen, Deutschland, gegründet. Unsere Mitarbeiterinnen und Mitarbeiter sind spezialisiert auf Next Generation Sequencing (NGS). Neben der genetischen Diagnostik bieten wir eine Vielzahl von Sequenzierdienstleistungen für Fragestellungen aus der Forschung und der Pharmabranche an. Unser Serviceportfolio umfasst Sequenzierdienstleistungen, die sich auch für Mikrobiom-, Epigenom-, Immunologie- und translationale Onkologie-Projekte eignen.

Unser engagiertes Team arbeitet eng mit Ihnen zusammen, um die beste Strategie für Ihr Projekt zu entwickeln sowie dieses zu betreuen. Wir wählen mit Ihnen die am besten geeignete Vorbereitung der Library, die optimalen Bedingungen für die Sequenzierung sowie das Level der bioinformatischen Leistungen für Ihr Projekt aus.

**Wir freuen uns, Ihnen unseren exzellenten Service anbieten zu können. Kontaktieren Sie uns noch heute, um mit der Planung Ihres nächsten Projekts zu beginnen.**



Akkreditiert nach  
DIN EN ISO/IEC 17025:2018



CLIA CERTIFIED ID: 99D2130225

CeGaT GmbH  
Research & Pharma Solutions  
Paul-Ehrlich-Str. 23  
72076 Tübingen  
Deutschland

Phone: +49707156544-333  
Fax: +49 707156544-56  
Email: rps@cegat.com  
Web: www.cegat.de/rps