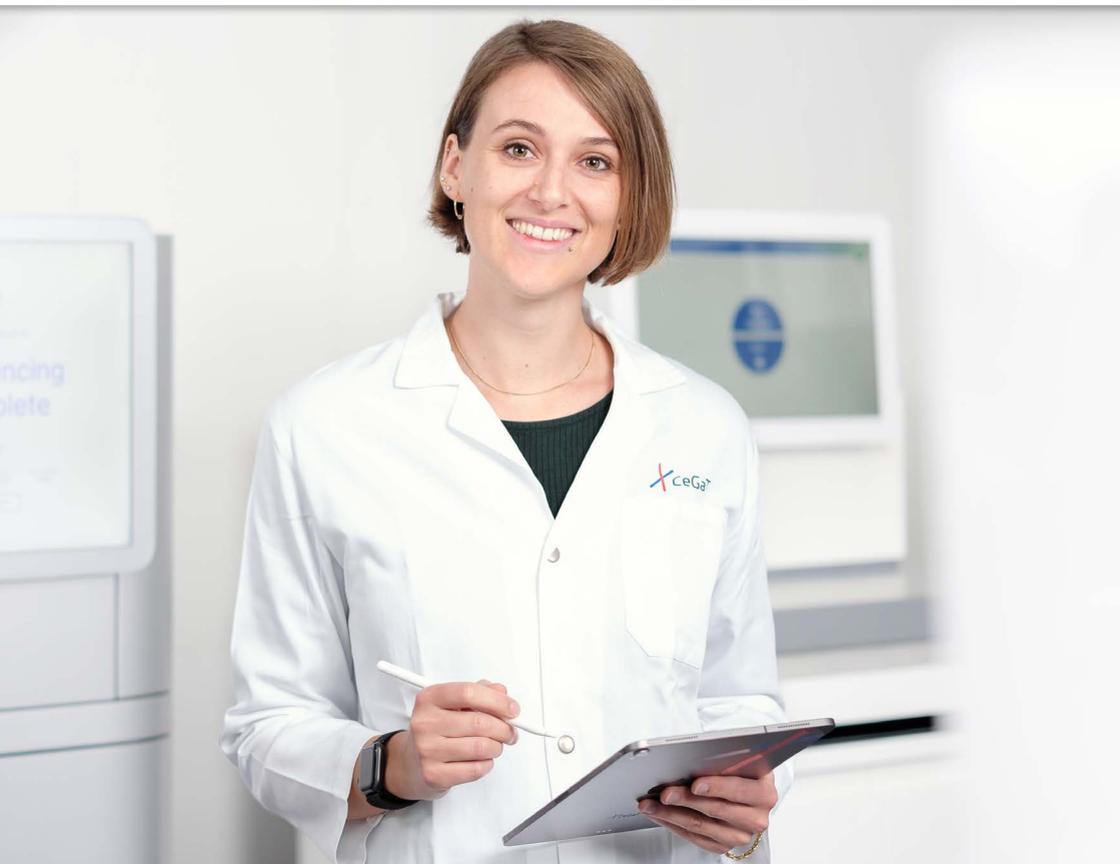


Genome Sequencing



Erhalten Sie ausführliche Informationen über die genetische Zusammensetzung eines Organismus

Das Genom bildet die gesamte genetische Information eines Organismus ab. Mit Hilfe der Next-Generation-Sequencing (NGS)-Technologie kann diese vollständig erfasst werden. Durch den Vergleich mit einem Referenzgenom können Veränderungen wie Einzelnukleotid-Varianten ("single nucleotide variants", SNVs), kleine Insertionen und Deletionen (kurz Indels), Kopienzahlveränderungen ("copy number variations", CNVs) und Strukturvarianten ("structural variants", SVs) untersucht werden.

Die Sequenzierung des gesamten Genoms ("whole genome sequencing", WGS) hilft bei

- ✗ Krebsstudien, Ansätzen der personalisierten Medizin und translationaler Forschung
- ✗ der Entdeckung von Biomarkern und dem Verständnis der Pharmakogenetik
- ✗ der Erforschung von Krankheiten
- ✗ Pflanzen- und Tierzuchtprogrammen
- ✗ der Untersuchung von Mikroorganismen



Unser Produktportfolio für Genome Sequencing

	WGS Large Classic	WGS Small Classic	WGS Flex	HiFi WGS
Spezies	Mensch, Maus	Mikroorganismen (Genom kleiner als 20 Mb)	Verschiedene (Genom größer als 20 Mb)	Verschiedene
DNA-Qualität	Hochmolekulare DNA		Unterschiedliche Qualität (z. B. fragmentierte DNA)	Hochmolekulare DNA
Protokoll	+/- PCR-Amplifikation	+ PCR-Amplifikation	+/- PCR-Amplifikation	- PCR-Amplifikation
Read-Länge	2 x 150 bp	2 x 100 bp	2 x 150 oder 2 x 100 bp	Bis zu 18 kb
Sequenzierplattform	Illumina			PacBio
Output	90 Gb	2 Gb	Flexibel	
Beinhaltete Leistungen	Projektbericht & Dateien im FASTQ-Format			

WGS: Whole Genome Sequencing

Möchten Sie mehr erfahren?
Für weitere Informationen besuchen Sie unsere Website.
www.cebata.de/genome-sequencing





Über uns

CeGaT wurde 2009 in Tübingen, Deutschland, gegründet. Unsere Mitarbeiterinnen und Mitarbeiter sind spezialisiert auf Next Generation Sequencing (NGS). Neben der genetischen Diagnostik bieten wir eine Vielzahl von Sequenzierdienstleistungen für Fragestellungen aus der Forschung und der Pharmabranche an. Unser Serviceportfolio umfasst Sequenzierdienstleistungen, die sich auch für Mikrobiom-, Epigenom-, Immunologie- und translationale Onkologie-Projekte eignen.

Unser engagiertes Team arbeitet eng mit Ihnen zusammen, um die beste Strategie für Ihr Projekt zu entwickeln sowie dieses zu betreuen. Wir wählen mit Ihnen die am besten geeignete Vorbereitung der Library, die optimalen Bedingungen für die Sequenzierung sowie das Level der bioinformatischen Leistungen für Ihr Projekt aus.

Wir freuen uns, Ihnen unseren exzellenten Service anbieten zu können. Kontaktieren Sie uns noch heute, um mit der Planung Ihres nächsten Projekts zu beginnen.



Akkreditiert nach
DIN EN ISO/IEC 17025:2018



CLIA CERTIFIED ID: 99D2130225

CeGaT GmbH
Research & Pharma Solutions
Paul-Ehrlich-Str. 23
72076 Tübingen
Deutschland

Phone: +49707156544-333
Fax: +49 707156544-56
Email: rps@cegat.com
Web: www.cegat.de/rps