

Exome Sequencing



Hochwertige Sequenzierung der relevantesten Regionen im Genom

Exome Sequencing

Die Summe aller kodierenden Exons des menschlichen Genoms wird als Exom bezeichnet. Obwohl Exons nur 1 - 2 % des Genoms ausmachen, befinden sich circa 89 % aller bekannten krankheitsverursachenden Mutationen in diesen Regionen. Daher ist es zur Klärung von vielen Fragestellungen sinnvoll, eine Exomanalyse durchzuführen.

Die Sequenzierung des gesamten Exoms (Whole exome sequencing, WES) kann für verschiedene Anwendungsbereiche und Ziele eingesetzt werden, z. B.:

- ✗ Populationsgenetik
- ✗ Genetische Störungen
- ✗ Seltene Erkrankungen
- ✗ Tumorforschung



Möchten Sie mehr erfahren?

Für weitere Informationen besuchen Sie unsere Website.

www.cebata.de/exome-sequencing

Unser Produktportfolio für Exome Sequencing

	WES Basic	WES Classic	WES Premium	WES Premium Deep	WES Flex
Spezies	Mensch				Mensch, Maus
DNA-Qualität	Hochmolekulare DNA		Unterschiedliche/geringe Qualität (z. B. fragmentierte DNA, Low-Input-Option)		Abhängig vom gewählten Protokoll
Anreicherungs-methode	Twist Bioscience				Twist Bioscience; Agilent Sure Select
Zielregion	Alle proteinkodierenden Regionen und mitochondriales Genom (Twist), 37 Mb				Haupt-(Core) proteinkodierende Genregionen (Twist), 33 Mb; Gesamtheit aller proteinkodierenden Genregionen (Agilent), 35.7 Mb; Alle proteinkodierenden Regionen und mitochondriales Genom (Twist), 37 Mb
Sequenzier-plattform	Illumina				
Output	6 Gb <small>ca. 50-fache Coverage (hängt von der Qualität des Ausgangsmaterials ab)</small>	12 Gb <small>ca. 100-fache Coverage (hängt von der Qualität des Ausgangsmaterials ab)</small>	24 Gb <small>ca. 150-fache Coverage (hängt von der Qualität des Ausgangsmaterials ab)</small>	Flexibel	
Beinhaltete Leistungen	Project report & FASTQ files				



Über uns

CeGaT wurde 2009 in Tübingen, Deutschland, gegründet. Unsere Mitarbeiterinnen und Mitarbeiter sind spezialisiert auf Next Generation Sequencing (NGS). Neben der genetischen Diagnostik bieten wir eine Vielzahl von Sequenzierdienstleistungen für Fragestellungen aus der Forschung und der Pharmabranche an. Unser Serviceportfolio umfasst Sequenzierdienstleistungen, die sich auch für Mikrobiom-, Epigenom-, Immunologie- und translationale Onkologie-Projekte eignen.

Unser engagiertes Team arbeitet eng mit Ihnen zusammen, um die beste Strategie für Ihr Projekt zu entwickeln sowie dieses zu betreuen. Wir wählen mit Ihnen die am besten geeignete Vorbereitung der Library, die optimalen Bedingungen für die Sequenzierung sowie das Level der bioinformatischen Leistungen für Ihr Projekt aus.

Wir freuen uns, Ihnen unseren exzellenten Service anbieten zu können. Kontaktieren Sie uns noch heute, um mit der Planung Ihres nächsten Projekts zu beginnen.



Akkreditiert nach
DIN EN ISO/IEC 17025:2018



CLIA CERTIFIED ID: 99D2130225

CeGaT GmbH
Research & Pharma Solutions
Paul-Ehrlich-Str. 23
72076 Tübingen
Deutschland

Phone: +49707156544-333
Fax: +49 707156544-56
Email: rps@cegat.com
Web: www.cegat.de/rps