

Comprehensive Tumor Profiling

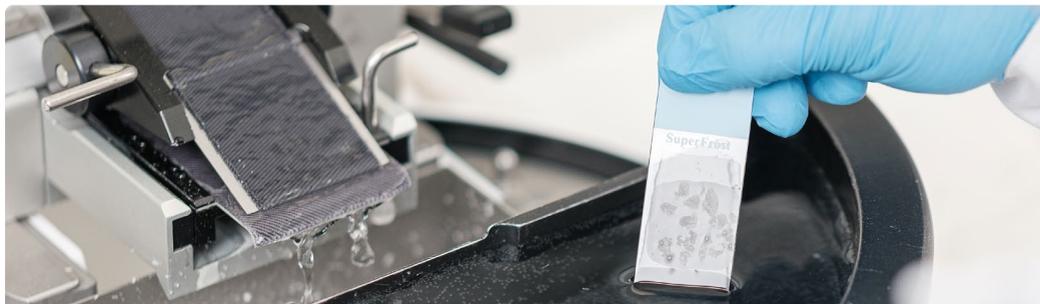


Umfassendes genomisches Profiling durch die Analyse von Tumorgewebe

Die Präzisionsmedizin bringt einen bedeutenden Paradigmenwechsel in die Arzneimittelforschung und Therapie von Tumorerkrankungen. Bisher nutzte die Medizin einheitliche Behandlungsstrategien für alle. Ein umfassendes genomisches Tumorprofiling (Comprehensive genomic tumor profiling) ist inzwischen von außerordentlicher Bedeutung. Ein umfassendes Tumorprofiling bezieht sich auf die gleichzeitige Auswertung mehrerer Biomarker in einer Analyse. Mit diesem Ansatz lassen sich nicht nur die wichtigsten prädiktiven Marker für aktuelle, zielgerichtete Therapien, sondern auch wichtige immunonkologische Biomarker wie die Tumormutationslast (Tumor mutational burden, kurz TMB) und die Mikrosatelliteninstabilität (Microsatellite instability, kurz MSI) ermitteln. Der TMB ist ein Biomarker, der die Anzahl der somatischen Mutationen im Tumor einer Krebspatientin oder eines Krebspatienten misst und als Mutationen pro Megabase (mut/Mb) quantifiziert wird. Ein weiterer wichtiger Biomarker für die Immuntherapie ist die MSI, die durch das Versagen des DNA-Fehlpaarungsreparatur-Systems (DNA mismatch repair system) verursacht wird.

Die Anwendungsbereiche des umfassenden Tumorprofilings sind vielfältig, mit besonderem Fokus auf:

- ✗ Stratifizierung von Patientinnen und Patienten für die beste Behandlungswahl
- ✗ Identifizierung von Patientinnen und Patienten, die für klinische Studien in Frage kommen
- ✗ Förderung der klinischen Forschung, insbesondere auf dem Gebiet der Immuntherapie



Unser Produktportfolio für Comprehensive Tumor Profiling

	CTP Somatic	CTP Tumor	CTP TUM Panel	CTP PAT Panel	CTP FUS Panel
Spezies	Mensch				
Sequenzier-panel	Whole Exome Sequencing (Twist Bioscience)		Somatisches Tumor-Panel (CeGaT GmbH)	Molekulares Pathologie-Panel (CeGaT GmbH)	RNA Fusions-Panel (CeGaT GmbH)
Anzahl analysierter Gene	~ 20.000		~ 760	55	160
Analyse von Tumor- und Normalgewebe	Ja	Nein	Ja	Nein	Nein
Ausgangsmaterial	Frisch eingefrorenes Gewebe, FFPE-Gewebe, hochmolekulare DNA oder fragmentierte DNA (FFPE)				Isolierte RNA
Sequenzierplattform	Illumina				
Output	12 Gb Normalgewebe 18 Gb Tumorgewebe	12 Gb oder 24 Gb (abhängig vom Tumorgehalt)	10 Gb	Flexibel	Flexibel
Beinhaltete Leistungen	Projektbericht & FASTQ-Dateien				

Möchten Sie mehr erfahren?
Für weitere Informationen besuchen Sie unsere Website.
www.cegat.de/comprehensive-tumor-profiling





Über uns

CeGaT wurde 2009 in Tübingen, Deutschland, gegründet. Unsere Mitarbeiterinnen und Mitarbeiter sind spezialisiert auf Next Generation Sequencing (NGS). Neben der genetischen Diagnostik bieten wir eine Vielzahl von Sequenzierdienstleistungen für Fragestellungen aus der Forschung und der Pharmabranche an. Unser Serviceportfolio umfasst Sequenzierdienstleistungen, die sich auch für Mikrobiom-, Epigenom-, Immunologie- und translationale Onkologie-Projekte eignen.

Unser engagiertes Team arbeitet eng mit Ihnen zusammen, um die beste Strategie für Ihr Projekt zu entwickeln sowie dieses zu betreuen. Wir wählen mit Ihnen die am besten geeignete Vorbereitung der Library, die optimalen Bedingungen für die Sequenzierung sowie das Level der bioinformatischen Leistungen für Ihr Projekt aus.

Wir freuen uns, Ihnen unseren exzellenten Service anbieten zu können. Kontaktieren Sie uns noch heute, um mit der Planung Ihres nächsten Projekts zu beginnen.



Akkreditiert nach
DIN EN ISO/IEC 17025:2018



CLIA CERTIFIED ID: 99D2130225

CeGaT GmbH
Research & Pharma Solutions
Paul-Ehrlich-Str. 23
72076 Tübingen
Deutschland

Phone: +49707156544-333
Fax: +49 707156544-56
Email: rps@cegat.com
Web: www.cegat.de/rps