

Aktuelle Liste der Verfahren im Akkreditierungsbereich D-PL-13206-01-00

Gültig ab: 25.08.2025

CeGaT GmbH
Paul-Ehrlich-Straße 23, 72076 Tübingen

Prüfungen im Bereich:

Gesundheitsversorgung (Nukleinsäureanalytik)
Gesundheitsversorgung (Medizinische Laboratoriumsuntersuchungen im Rahmen klinischer Studien)

Prüfgebiete:

Nukleinsäureanalytik
Humangenetik (Molekulare Humangenetik)
Humangenetik (Zytogenetik)

Innerhalb der mit ** gekennzeichneten Prüfbereiche ist dem Laboratorium, ohne dass es einer vorherigen Information und Zustimmung der DAkkS GmbH bedarf, die Modifizierung sowie Weiter- und Neuentwicklung von Prüfverfahren gestattet.

Die aufgeführten Prüfverfahren sind beispielhaft. Das Laboratorium verfügt über eine aktuelle Liste aller Prüfverfahren im flexiblen Akkreditierungsbereich.

Bereich: Gesundheitsversorgung (Nukleinsäureanalytik)

Prüfgebiet: Nukleinsäureanalytik

Prüfart:

Nukleinsäure-Amplifikation (inkl. Aufreinigung und Anreicherung)**

Analyt (Messgröße)	Prüfgegenstände (Matrix)	Prüftechnik	Anweisung/ Version	Gerät
SNPs, Kopienzahlveränderung	DNA, DNA aus Gewebe, FFPE, Blut, Plasma, Serum, Zellkultur	ddPCR	L-MG-0001 (V20), L-MG-0028a (V09), L-MG-0051 (V11), L-MG-0065 (V05), L-MG-0066 (V07), PS-0004 (V15), QM-0018 (V34)	Cycler Bio Rad (C1000 Touch), Droplet Generator QX200, Droplet Reader QX200

Prüfart:

Hochdurchsatzsequenzierung inkl. Vorbereitung und Datenanalyse**

Analyt (Messgröße)	Prüfgegenstände (Matrix)	Prüftechnik	Anweisung/ Version	Gerät
DNA-/RNA-Sequenz Genome Sequencing Exome Sequencing Transcriptome Sequencing Panel Sequencing Ready to Load Sequencing Small RNA Sequencing Single-cell RNA Sequencing Spatial RNA Sequencing Methylation Sequencing Full-Length 16 S Sequencing Shotgun Metagenomic Sequencing Comprehensive Tumor Profiling Liquid Biopsy TSO 500 HLA Typing TCR Sequencing Single-Cell Immune Profiling	DNA oder RNA aus Blut, Plasma, Serum, Gewebe, FFPE, Bakterien, Stuhlproben sowie NGS-Library, PCR-Produkte, Plasmid-DNA	Sequencing by synthesis inkl. Probenvorbereitung, Erstellung der Library, Qualitätskontrollen und Bio- IT-Analyse	L-MG-0001 (V20), L-MG-0008 (V07), L-MG- 0011 (V08), L-MG-0014 (V13), L-MG-0015 (V09), L-MG-0022 (V13), L-MG-0028d (V01), L- MG-0028e (V01), L-MG-0028a (V09), L-MG- 0035 (V05), L-MG-0045 (V15), L-MG-0045a (V04), L-MG-0045b (V07), L-MG-0046 (V08), L- MG-0047 (V11), L-MG-0049 (V10), L-MG-0050 (V12), L-MG-0052 (V12), L-MG-0054 (V11), L- MG-0057 (V10), L-MG-0060 (V08), L-MG-0061 (V12), L-MG-0064 (V03), L-MG-0067 (V11), L- MG-0069 (V05), L-MG-0090 (V04), L-MG-0091 (V04), L-MG-0093 (V04), L-MG-0094 (V01), L- MG-0095 (V01), L-MG-0098 (V04), L-MG-0099 (V06), L-MG-0103 (V03), PS-0004 (V15), QM- 0018 (V34), BI-0011 (V12)	Hamilton (Pipettier-Roboter), MiSeq, NovaSeq 6000, NovaSeq X Plus, Sequel IiE, Thermocycler

**Bereich: Gesundheitsversorgung (Medizinische
Laboratoriumsuntersuchungen im Rahmen klinischer Studien)**

Prüfgebiet: Humangenetik (Molekulare Humangenetik)

Prüfart: Molekularbiologische Untersuchungen (Amplifikationsverfahren) **

Analyt (Messgröße)	Prüfmaterial (Matrix)	Prüftechnik	Anweisung/ Version	Gerät
Whole Genome Sequencing Whole Exome Sequencing Panel Sequencing Ready to Load Sequencing Methylation Sequencing Comprehensive Tumor Profiling Liquid Biopsy TSO 500 HLA Typing	DNA aus Blut, Plasma, Serum, Gewebe, FFPE, Stuhlproben sowie NGS-Library, PCR-Produkte	Sequencing by synthesis inkl. Probenvorbereitung, Erstellung der Library, Qualitätskontrollen und Bio- IT-Analyse	L-MG-0001 (V20), L-MG-0008 (V07), L-MG-0011 (V08), L-MG-0014 (V13), L-MG-0015 (V09), L-MG-0022 (V13), L-MG-0028a (V09), L-MG-0035 (V05), L-MG-0045 (V15), L-MG-0045b (V07), L-MG-0046 (V08), L-MG-0049 (V10), L-MG-0050 (V12), L-MG-0052 (V12), L-MG-0057 (V10), L-MG-0060 (V08), L-MG-0064 (V03), L-MG-0067 (V11), L-MG-0090 (V04), L-MG-0091 (V04), L-MG-0093 (V04), L-MG-0094 (V01), L-MG-0095 (V01), L-MG-0098 (V04), L-MG-0099 (V06), PS-0004 (V15), QM-0018 (V34), BI-0011 (V12)	Hamilton (Pipettier-Roboter), MiSeq, NovaSeq 6000, Thermocycler
Transcriptome Sequencing Ready to Load Sequencing Single-cell RNA Sequencing Small RNA Sequencing Spatial RNA Sequencing	RNA aus Blut, Plasma, Serum, Gewebe, FFPE, sowie NGS-Library, PCR-Produkte	Sequencing by synthesis inkl. Probenvorbereitung, Erstellung der Library, Qualitätskontrollen und Bio- IT-Analyse	L-MG-0001 (V20), L-MG-0008 (V07), L-MG-0011 (V08), L-MG-0014 (V13), L-MG-0015 (V09), L-MG-0022 (V13), L-MG-0035 (V05), L-MG-0045b (V07) L-MG-0047 (V11), L-MG-0052 (V12), L-MG-0054 (V11), L-MG-0060 (V08), L-MG-0061 (V12), L-MG-0064 (V03), L-MG-0067 (V11), L-MG-0069 (V05), L-MG-0103 (V03), PS-0004 (V15), QM-0018 (V34), BI-0011 (V12)	Hamilton (Pipettier-Roboter), MiSeq, NovaSeq 6000, Thermocycler
SNPs, Kopienzahlveränderung BAP1, BRAF, CDK4, EGFR, FGFR3, GNA11, GNAQ, JAK2, KIT, KRAS, MAP2K1, MLH1, MYCN, NF1, NRAS, PIK3CA, STAT1, TP53, SLC34A2- Ros1	DNA, DNA aus Gewebe, FFPE, Blut, Plasma, Serum, Zellkultur	ddPCR	L-MG-0001 (V20), L-MG-0028a (V09) L-MG-0051 (V11), , L-MG-0065 (V05), L-MG-0066 (V07), PS-0004 (V15), QM-0018 (V34)	Cycler Bio Rad (C1000 Touch), Droplet Generator QX200, Droplet Reader QX200

Prüfgebiet: Humangenetik (Zytogenetik)

Prüfart: Chromosomenanalyse

Analyt (Messgröße)	Prüfmaterial (Matrix)	Prüftechnik	Anweisung/ Version	Gerät
konstitutioneller Chromosomensatz (Duplikationen/Deletionen)	EDTA-Blut, DNA aus Blut, Zellkultur, genomische DNA	Molekulare Karyotypisierung mittels Array-Analyse (Array CGH)	L-MG-0001 (V20) L-MG-0021 (V11), PS-0004 (V15)	Array-CGH Agilent SureScan DX, Auswertesoftware Cytogenomics (Version 5.1.2.1)